

Pour réussir mon évaluation sur :

- **Génome humain et histoire de l'humanité** -

Je dois être capable de donner une définition ou d'expliquer les termes suivants :

- | | |
|---|---|
| <ul style="list-style-type: none">○ Génome○ Lien de parenté○ Arbre phylogénétique | <ul style="list-style-type: none">○ Sélection naturelle○ Fréquence allélique |
|---|---|



Je dois être capable :

- D'étudier des empreintes génétiques pour déterminer les liens de parentés entre des personnes ou vérifier l'identité d'un individu.
- De comparer différentes données moléculaires pour déterminer l'appartenance (ou non) d'un individu à une espèce.
- De déterminer à partir de données moléculaires les liens de parentés entre différentes espèces d'homininés.
- De lister les espèces du genre homo.
- A l'aide de documents de reconstituer les chemins migratoires des espèces humaines.
- D'utiliser les fonctionnalités du logiciel Anagène et de Phylogène.
- De démontrer à l'aide de documents l'existence d'allèles néandertaliens dans les génomes humains actuels.
- De montrer que certaines variations génétiques résultent d'une sélection naturelle actuelle ou passée.

Pour réussir mon évaluation sur :

- **Génome humain et histoire de l'humanité** -

Je dois être capable de donner une définition ou d'expliquer les termes suivants :

- | | |
|---|---|
| <ul style="list-style-type: none">○ Génome○ Lien de parenté○ Arbre phylogénétique | <ul style="list-style-type: none">○ Sélection naturelle○ Fréquence allélique |
|---|---|



Je dois être capable :

- D'étudier des empreintes génétiques pour déterminer les liens de parentés entre des personnes ou vérifier l'identité d'un individu.
- De comparer différentes données moléculaires pour déterminer l'appartenance (ou non) d'un individu à une espèce.
- De déterminer à partir de données moléculaires les liens de parentés entre différentes espèces d'homininés.
- De lister les espèces du genre homo.
- A l'aide de documents de reconstituer les chemins migratoires des espèces humaines.
- D'utiliser les fonctionnalités du logiciel Anagène et de Phylogène.
- De démontrer à l'aide de documents l'existence d'allèles néandertaliens dans les génomes humains actuels.
- De montrer que certaines variations génétiques résultent d'une sélection naturelle actuelle ou passée.