

Visualisation de molécules avec Libmol.org

Espace de travail

Hémoglobine humaine oxygénée

Distance [icône] [icône] [icône]

Réglages : couleur arrière plan, plan de coupe,...

Capture d'écran

Mesure de distances

Survol à la souris : nom de l'atome du résidu et de la molécule

Clic gauche : rotation
Clic droit : translation
Molette : zoom

Code couleur de la dernière coloration utilisée

Affichage des noms au survol

% atomes sélectionnés et masqués (surbrillance au survol)

Mode séquence

A	B	C	D
VAL	VAL	VAL	VAL
LEU	HIS	LEU	HIS
SER	LEU	SER	LEU
PRO	THR	PRO	THR
ALA	PRO	ALA	PRO
ASP	GLU	ASP	GLU
LYS	GLU	LYS	GLU
THR	LYS	THR	LYS
ASN	SER	ASN	SER
VAL	ALA	VAL	ALA
LYS	VAL	LYS	VAL
ALA	THR	ALA	THR
ALA	ALA	ALA	ALA
TRP	LEU	TRP	LEU
GLY	TRP	GLY	TRP
LYS	GLY	LYS	GLY
VAL	LYS	VAL	LYS

Chânes du modèle. En bleu, chaîne entièrement sélectionnée

HIS 545 - Chaîne D

LYS 551 Chaîne D
Lysine

Clic droit : masquer/montrer un résidu ou une chaîne

Survol d'un résidu ou d'une chaîne : identification et mise en surbrillance

Les résidus sélectionnés apparaissent en bleu

Sélections prédéfinies

Modes de représentation appliqués à la sélection

Couleurs appliquées à la sélection

Mesure de distances

Hémoglobine humaine oxygénée

Distance [icône] [icône] [icône]

Activer la mesure de distances:

Effacer les mesures réalisées

Repérage en rouge, des atomes choisis pour la mesure (cliquer pour sélectionner)

1.54 nm

Atome: carbone CA
Res: Lysine LYS 92
Chaîne: A HEMOGLOBIN ALPHA CHAIN

Remarque: la sélection active et ses propriétés apparaissent en bleu

Aide contextuelle (au survol d'une commande)

Colorations de la sélection

Représentations de la sélection

Sélections prédéfinies
Le bouton [icône] masque ou montre le composant

Sélection par ligne de commande