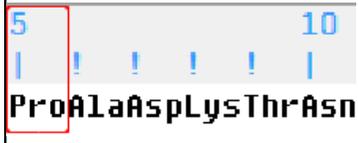


## COMPARAISON - CONVERSION AVEC ANAGENE Version 2

Les icônes de la barre d'outils	Numérotation des éléments d'une séquence	
 <p style="text-align: center;">1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18</p>	<div style="display: flex; justify-content: space-between;"> <div style="width: 45%;"> <p>Echelle de repérage des nucléotides</p>  </div> <div style="width: 45%;"> <p>Echelle de repérage des acides aminés</p>  </div> </div>	<p><b>1.</b> Banque de séquences</p> <p><b>2.</b> Thèmes d'étude</p> <p><b>3.</b> Programmes et documents</p> <p><b>4.</b> Voir le classeur</p> <p><b>5.</b> Enregistrer</p> <p><b>6.</b> Imprimer</p> <p><b>7.</b> Couper</p> <p><b>8.</b> Copier</p> <p><b>9.</b> Coller</p> <p><b>10.</b> Effacer</p> <p><b>11.</b> Convertir les séquences</p> <p><b>12.</b> Comparer les séquences</p> <p><b>13.</b> Action enzymatique</p> <p><b>14.</b> Graphique de ressemblance</p> <p><b>15.</b> Information sur ligne pointée</p> <p><b>16.</b> Code génétique</p> <p><b>17.</b> Grand curseur</p> <p><b>18.</b> Fermer toutes les fenêtres</p>
<p><b>Cliquer</b> sur l'échelle pour passer de l'échelle des nucléotides à celle des acides aminés.</p>		
<p><b>Utiliser le curseur</b></p>		
<p><b>Surligner</b> pour sélectionner la partie de la séquence choisie. <b>Cliquer</b> sur l'icône « grand curseur ».</p>		
<p><b>Bulles d'aide</b></p>		
<p>Une bulle d'aide s'affiche sur l'objet pointé par le curseur de la souris</p>		
Editer une séquence	Sélectionner une séquence	
<p><b>Sélectionner</b> cette séquence dans l'un des répertoires d'Anagène :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Banque de séquences</li> <li>• Thèmes d'étude</li> <li>• Programmes et documents</li> </ul> <p>ou par «Fichier / Ouvrir / sauve»</p>	 <p><b>Cliquer</b> sur le bouton de sélection. La séquence sélectionnée s'inscrit sur fond blanc. On peut <b>sélectionner</b> plusieurs séquences. La flèche rouge indique la ligne pointée, sur laquelle il est possible d'obtenir des informations et que l'on peut <b>déplacer</b> à l'aide des flèches grises, haut - bas.</p>	
Convertir une séquence	Comparer des séquences	
<p>Menu «traiter / convertir ces séquences». Pour <b>traiter</b> une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée.</p>	<p><b>ATTENTION : pour comparer, la séquence de référence est toujours celle qui est placée en premier.</b></p> <p>Menu «traiter / comparer les séquences» ou «convertir ces séquences».</p> <p>Pour <b>traiter</b> une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée.</p> <p>La comparaison des séquences ne peut se faire que sur des séquences de même nature. Les flèches grises haut-bas permettent de placer la séquence de référence.</p> <p>Deux comparaisons possibles :</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• <u>La comparaison par alignement</u> permet de comparer avec discontinuité, en éliminant les décalages résultant de délétion(s) ou d'insertion(s), les valeurs affichées sont des ressemblances (identités),</li> <li>• <u>La comparaison simple</u> permet de comparer point par point des séquences sans aucun alignement, les valeurs affichées sont des différences.</li> </ul>	
Informations sur la ou les séquence(s) sélectionnée(s)		
<p>Menu «informations / sur la ligne pointée» pour obtenir des informations sur la sélection : soit d'une ligne, soit de toutes les lignes en cliquant d'abord devant « traitement ».</p> <p><i>Attention : les pourcentages obtenus portent soit sur des différences soit sur des ressemblances.</i></p>		
Créer des séquences		
<p>Menu «Fichier / créer». <b>Choisir</b> le type de séquence et le <b>nommer</b>. <b>Taper</b> ou <b>choisir</b> dans la fenêtre d'«édition de séquences», votre séquence.</p>		