

### Hypothèse 1 : Modèle conservatif








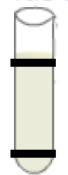
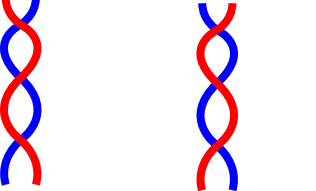

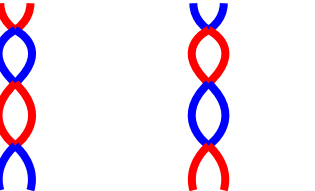

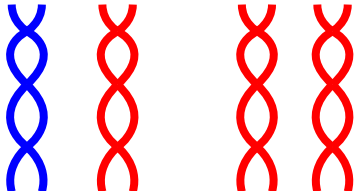
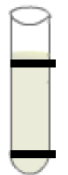
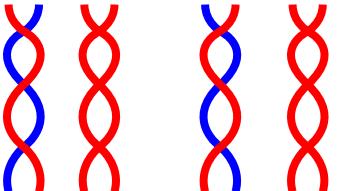
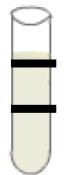
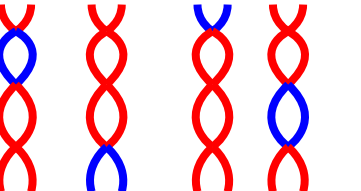
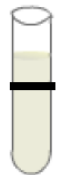
Les deux brins de la molécule d'ADN restent indéfiniment accolés et permettent la synthèse à côté d'eux d'une molécule dont les deux brins sont nouvellement synthésés.  
On garde une molécule « mère » non modifiée tout en « créant » une nouvelle molécule « fille ».

### Hypothèse 2 : Modèle semi-conservatif

Les deux brins de la molécule d'ADN se séparent et servent de modèle à la synthèse d'un nouveau brin auquel ils seront définitivement associés.  
Chaque molécule « fille » ne conserve donc qu'un seul brin de la molécule « mère ».

### Hypothèse 3 : Modèle dispersif

Aucun brin n'est conservé intact.  
Les deux molécules « filles » sont créées à partir de fragments de la molécule « mère » dispersés dans chacune des deux molécules et de copies de ces fragments.

	Schéma de l'hypothèse	Résultats prévisibles	Schéma de l'hypothèse	Résultats prévisibles	Schéma de l'hypothèse	Résultats prévisibles
1 cycle	Molécule d'ADN « mère » 	Tube n° 1  100 %	Molécule d'ADN « mère » 	Tube n° 1  100 %	Molécule d'ADN « mère » 	Tube n° 1  100 %
		Tube n° 2  50 % 50 %		Tube n° 2  100 %		Tube n° 2  100 %
1 cycle		Tube n° 3  75 % 25 %		Tube n° 3  50 % 50 %		Tube n° 3  100 %